

모자보건수첩 활용실태 조사 : 천안시

CODE BOOK

자료번호	A1-1988-0014
연구책임자	김연영
연구수행기관	한국인구보건연구원
조사년도	1988년
자료서비스기관	한국사회과학자료원
자료공개년도	2011년
코드북 제작년도	2011년

이 자료를 연구 및 저작에 이용, 참고 및 인용할 경우에는 KOSSDA의 자료인용표준서식에 준하여 자료의 출처를 반드시 명시하여야 합니다. 자료 출처는 자료명이 최초로 언급되는 부분이나 참고문헌 목록에 명시할 수 있습니다.

■ 자료를 이용, 참고, 인용할 경우 표준서식

김연영. 1988. 「모자보건수첩 활용실태 조사 : 천안시」. 연구수행기관: 한국인구보건연구원. 자료서비스기관: 한국사회과학자료원. 자료공개년도: 2011년. 자료번호: A1-1988-0014.

■ 코드북을 인용할 경우 표준서식

한국사회과학자료원. 2011. 「모자보건수첩 활용실태 조사 : 천안시 CODE BOOK」. pp. 5-10.

이 자료의 코북에 대한 모든 권한은 KOSSDA에 있으며 KOSSDA의 사전 허가 없이 복제, 송신, 출판, 배포할 수 없습니다.

area

	1	67	18.1	18.1
	2	75	20.3	20.3
	3	45	12.2	12.2
	4	26	7.0	7.0
	5	9	2.4	2.4
1	6	30	8.1	8.1
2	7	54	14.6	14.6
	8	32	8.6	8.6
	9	32	8.6	8.6
		370	100.0	100.0

q1

1. ?

18	18	1	0.3	0.3
19	19	1	0.3	0.3
20	20	1	0.3	0.3
21	21	2	0.5	0.5
22	22	11	3.0	3.0
23	23	17	4.6	4.6
24	24	34	9.2	9.2
25	25	47	12.7	12.7
26	26	42	11.4	11.4
27	27	58	15.7	15.7
28	28	53	14.3	14.3
29	29	37	10.0	10.0
30	30	17	4.6	4.6
31	31	16	4.3	4.3
32	32	10	2.7	2.7
33	33	10	2.7	2.7
34	34	7	1.9	1.9
35	35	3	0.8	0.8
36	36	2	0.5	0.5
38	38	1	0.3	0.3
		370	100.0	100.0

q2_1

2. ?
 1)

1	29	7.8	7.8
2	83	22.4	22.4
3	225	60.8	60.8
4	33	8.9	8.9
	370	100.0	100.0

q2_2 ()

2. ?
 2)

1	15	4.1	4.1
2	64	17.3	17.3
3	187	50.5	50.5
4	104	28.1	28.1
	370	100.0	100.0

q3 ()

3. ? ?

1	7	1.9	1.9
2	10	2.7	2.7
3	58	15.7	15.7
4	10	2.7	2.7
5	100	27.0	27.0
6	52	14.1	14.1
7	9	2.4	2.4
8	6	1.6	1.6
9	118	31.9	31.9
	370	100.0	100.0

q4

4.	?	?		
		0	327	88.4
가		1	16	4.3
		2	7	1.9
		3	1	0.3
		4	1	0.3
		5	1	0.3
		6	3	0.8
		8	14	3.8
			370	100.0

q5

5.	?			
가		1	126	34.1
		2	32	8.6
		3	11	3.0
()		4	6	1.6
		5	1	0.3
		6	155	41.9
		7	39	10.5
			370	100.0

q6

6.	가	?		
		1	317	85.7
		2	53	14.3
			370	100.0

q7

7. ?

	1	201	54.3	54.3
	2	169	45.7	45.7
		370	100.0	100.0

q8

8. ?

() 가	0	146	39.5	39.5
,	1	32	8.6	8.6
	2	166	44.9	44.9
	3	13	3.5	3.5
	4	8	2.2	2.2
/	5	5	1.4	1.4
		370	100.0	100.0

q9 가

9. 가 ?

20	1	18	4.9	4.9
20 - 30	2	60	16.2	16.3
30 - 40	3	152	41.1	41.2
40 - 50	4	64	17.3	17.3
50 - 60	5	34	9.2	9.2
60 - 70	6	14	3.8	3.8
70 - 80	7	10	2.7	2.7
80 - 90	8	4	1.1	1.1
100	9	13	3.5	3.5
	0	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q10_1_1

()

10.

?

3	3	1	0.3	0.3
4	4	1	0.3	0.3
5	5	28	7.6	7.6
7	7	4	1.1	1.1
8	8	3	0.8	0.8
9	9	1	0.3	0.3
10	10	118	31.9	32.0
11	11	1	0.3	0.3
12	12	1	0.3	0.3
13	13	3	0.8	0.8
15	15	56	15.1	15.2
18	18	2	0.5	0.5
20	20	60	16.2	16.3
25	25	12	3.2	3.3
28	28	1	0.3	0.3
30	30	42	11.4	11.4
35	35	5	1.4	1.4
40	40	27	7.3	7.3
70	70	3	0.8	0.8
	999	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q10_1_2

	1	138	37.3	37.4
	2	63	17.0	17.1
	3	168	45.4	45.5
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q11

11. : ?

0	0	118	31.9	31.9
1	1	138	37.3	37.3
2	2	72	19.5	19.5
3	3	21	5.7	5.7
4	4	14	3.8	3.8
5	5	5	1.4	1.4
7	7	1	0.3	0.3
8	8	1	0.3	0.3
		370	100.0	100.0

q12

12. : ?

0	0	170	45.9	45.9
1	1	169	45.7	45.7
2	2	23	6.2	6.2
3	3	8	2.2	2.2
		370	100.0	100.0

q13

13. : ?

0	0	307	83.0	83.0
1	1	54	14.6	14.6
2	2	6	1.6	1.6
3	3	1	0.3	0.3
7	7	1	0.3	0.3
8	8	1	0.3	0.3
		370	100.0	100.0

q14

14. : ?

0	0	279	75.4	75.4
1	1	70	18.9	18.9
2	2	17	4.6	4.6
3	3	4	1.1	1.1
		370	100.0	100.0

q17

17. ?

	1	346	93.5	93.5
	2	24	6.5	6.5
		370	100.0	100.0

q17_1

17 - 1.

1	1	27	7.3	7.8
2	2	37	10.0	10.7
3	3	56	15.1	16.2
4	4	53	14.3	15.3
5	5	38	10.3	11.0
6	6	22	5.9	6.4
7	7	37	10.0	10.7
8	8	55	14.9	15.9
9	9	21	5.7	6.1
	0	24	6.5	
		370	100.0	100.0

q18_1_1

18. , , .

1	1	54	14.6	15.6
2	2	104	28.1	30.1
3	3	113	30.5	32.7
4	4	16	4.3	4.6
5	5	16	4.3	4.6
6	6	14	3.8	4.0
7	7	9	2.4	2.6
8	8	15	4.1	4.3
9	9	5	1.4	1.4
	0	24	6.5	
		370	100.0	100.0

q18_1_2

18. , , .

	1	29	7.8	8.4
	2	112	30.3	32.4
	3	10	2.7	2.9
	4	25	6.8	7.2
	6	3	0.8	0.9
	7	6	1.6	1.7
	8	105	28.4	30.3
	9	7	1.9	2.0
	11	1	0.3	0.3
	12	4	1.1	1.2
	13	1	0.3	0.3
	14	3	0.8	0.9
	15	1	0.3	0.3
	16	3	0.8	0.9
	17	1	0.3	0.3
	18	1	0.3	0.3
	28	1	0.3	0.3
	77	33	8.9	9.5
	0	24	6.5	
		370	100.0	100.0

q18_1_3

1	1	1	0.3	0.3
3	3	2	0.5	0.6
5	5	37	10.0	12.0
7	7	3	0.8	1.0
8	8	2	0.5	0.6
10	10	103	27.8	33.3
15	15	61	16.5	19.7
18	18	1	0.3	0.3
20	20	67	18.1	21.7
25	25	3	0.8	1.0
28	28	1	0.3	0.3
30	30	25	6.8	8.1
35	35	1	0.3	0.3
40	40	2	0.5	0.6
	0	24	6.5	
	99	37	10.0	
		370	100.0	100.0

q18_2_1

18. , , .

	1	41	11.1	46.6
	2	14	3.8	15.9
	4	6	1.6	6.8
	6	1	0.3	1.1
	7	2	0.5	2.3
	8	17	4.6	19.3
	9	1	0.3	1.1
	10	1	0.3	1.1
	14	1	0.3	1.1
	17	1	0.3	1.1
	77	3	0.8	3.4
	0	282	76.2	
		370	100.0	100.0

q18_2_2

3	3	2	0.5	2.4
5	5	14	3.8	16.5
7	7	1	0.3	1.2
10	10	28	7.6	32.9
15	15	13	3.5	15.3
18	18	1	0.3	1.2
20	20	13	3.5	15.3
25	25	1	0.3	1.2
30	30	10	2.7	11.8
40	40	2	0.5	2.4
	0	282	76.2	
	99	3	0.8	
		370	100.0	100.0

q18_3_1

18.

	1	2	0.5	20.0
	2	1	0.3	10.0
	3	1	0.3	10.0
	4	2	0.5	20.0
	8	2	0.5	20.0
	9	2	0.5	20.0
	0	360	97.3	
		370	100.0	100.0

q18_3_2

5	5	1	0.3	11.1
10	10	6	1.6	66.7
20	20	2	0.5	22.2
	0	360	97.3	
	99	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q18_4_1

18. , , .

	1	1	0.3	50.0
	2	1	0.3	50.0
	0	368	99.5	
		370	100.0	100.0

q18_4_2

10	10	2	0.5	100.0
	0	368	99.5	
		370	100.0	100.0

q18_5_1

:

18.

	1	65	17.6	92.9
	2	5	1.4	7.1
	0	300	81.1	
		370	100.0	100.0

q18_5_2

:

	1	10	2.7	14.3
	2	60	16.2	85.7
	0	300	81.1	
		370	100.0	100.0

q18_5_3

:

	1	65	17.6	92.9
	2	5	1.4	7.1
	0	300	81.1	
		370	100.0	100.0

q18_5_4

:

1	8	2.2	11.4
2	62	16.8	88.6
0	300	81.1	
	370	100.0	100.0

q18_5_5

:

1	11	3.0	15.7
2	59	15.9	84.3
0	300	81.1	
	370	100.0	100.0

q18_5_6

:

1	2	0.5	2.9
2	68	18.4	97.1
0	300	81.1	
	370	100.0	100.0

q18_5_7

:

1	19	5.1	27.1
2	51	13.8	72.9
0	300	81.1	
	370	100.0	100.0

q18_5_8

:

2	70	18.9	100.0
0	300	81.1	
	370	100.0	100.0

q18_5_9 :

1	1	0.3	1.4
2	69	18.6	98.6
0	300	81.1	
	370	100.0	100.0

q18_6_1 :

18.

1	323	87.3	99.1
2	3	0.8	0.9
0	44	11.9	
	370	100.0	100.0

q18_6_2 :

1	184	49.7	56.4
2	142	38.4	43.6
0	44	11.9	
	370	100.0	100.0

q18_6_3 :

1	316	85.4	96.9
2	10	2.7	3.1
0	44	11.9	
	370	100.0	100.0

q18_6_4 :

1	92	24.9	28.2
2	234	63.2	71.8
0	44	11.9	
	370	100.0	100.0

q18_6_5

:

1	56	15.1	17.2
2	270	73.0	82.8
0	44	11.9	
	370	100.0	100.0

q18_6_6

:

1	28	7.6	8.6
2	298	80.5	91.4
0	44	11.9	
	370	100.0	100.0

q18_6_7

:

1	121	32.7	37.1
2	205	55.4	62.9
0	44	11.9	
	370	100.0	100.0

q18_6_8

:

1	286	77.3	87.7
2	40	10.8	12.3
0	44	11.9	
	370	100.0	100.0

q18_6_9

:

1	7	1.9	2.1
2	319	86.2	97.9
0	44	11.9	
	370	100.0	100.0

q19 가

19. ?

	1	137	37.0	37.0
	2	2	0.5	0.5
	3	1	0.3	0.3
	6	2	0.5	0.5
	8	4	1.1	1.1
	9	2	0.5	0.5
,	11	2	0.5	0.5
, ,	14	15	4.1	4.1
,	15	10	2.7	2.7
,	16	128	34.6	34.6
, ,	17	14	3.8	3.8
, , ,	18	13	3.5	3.5
, , , ,	19	3	0.8	0.8
, , ,	20	18	4.9	4.9
,	21	4	1.1	1.1
,	22	2	0.5	0.5
	24	13	3.5	3.5
		370	100.0	100.0

q20 ()

20. ?

2	2	1	0.3	0.3
3	3	4	1.1	1.1
4	4	6	1.6	1.6
5	5	11	3.0	3.0
6	6	19	5.1	5.2
7	7	29	7.8	7.9
8	8	21	5.7	5.8
9	9	29	7.8	7.9
10	10	31	8.4	8.5
11	11	31	8.4	8.5

12	12	37	10.0	10.1
13	13	31	8.4	8.5
14	14	36	9.7	9.9
15	15	18	4.9	4.9
16	16	33	8.9	9.0
17	17	18	4.9	4.9
18	18	4	1.1	1.1
19	19	3	0.8	0.8
27	27	1	0.3	0.3
29	29	1	0.3	0.3
30	30	1	0.3	0.3
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q21

21. ?

	1	171	46.2	46.8
	2	194	52.4	53.2
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q22

22. ?

()	1	194	52.4	53.2
	2	19	5.1	5.2
	3	21	5.7	5.8
()	4	128	34.6	35.1
	5	2	0.5	0.5
	6	1	0.3	0.3
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q23

23. 가 ?

	1	321	86.8	87.9
	2	23	6.2	6.3
	3	2	0.5	0.5
,	4	4	1.1	1.1
가	5	15	4.1	4.1
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q24

24. ? ?

	1	16	4.3	4.4
	2	17	4.6	4.7
	3	13	3.5	3.6
	4	30	8.1	8.2
	5	2	0.5	0.5
,	7	2	0.5	0.5
()	8	285	77.0	78.1
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q25

25. () 가 ?

	1	235	63.5	64.4
가	2	130	35.1	35.6
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q26

26. ?

()	1	215	58.1	58.9
	2	10	2.7	2.7
()	4	1	0.3	0.3
()	7	7	1.9	1.9
(가)	8	131	35.4	35.9
	9	1	0.3	0.3
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q27_1

1	1	2	0.5	0.5
2	2	13	3.5	3.6
3	3	11	3.0	3.0
4	4	22	5.9	6.0
5	5	44	11.9	12.1
6	6	70	18.9	19.2
7	7	154	41.6	42.2
8	8	37	10.0	10.1
9	9	10	2.7	2.7
	99	2	0.5	0.5
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q27_2

27. 가 ?

	1	319	86.2	87.4
BCG	2	13	3.5	3.6
DPT	3	1	0.3	0.3
DPT,	5	25	6.8	6.8
BCG, DPT,	7	7	1.9	1.9
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q27_3

27.

	1	2	0.5	0.5
	2	19	5.1	5.2
	3	262	70.8	71.8
	7	1	0.3	0.3
,	9	5	1.4	1.4
,	12	64	17.3	17.5
,	13	6	1.6	1.6
,	22	1	0.3	0.3
	88	5	1.4	1.4
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q27_4

27.

	1	327	88.4	89.6
	2	38	10.3	10.4
	0	5	1.4	
		370	100.0	100.0

q27_5

27.

	1	2	0.5	0.6
	2	20	5.4	6.1
	3	228	61.6	69.7
,	7	77	20.8	23.5
	0	5	1.4	
	8	38	10.3	
		370	100.0	100.0

q28_1

28. 가 , ?

	1	70	18.9	18.9
	3	300	81.1	81.1
		370	100.0	100.0

q28_2

(00), (00)

0 () ()	0	18	4.9	5.0
1 () ()	1	108	29.2	30.2
2 () ()	2	60	16.2	16.8
3 () ()	3	34	9.2	9.5
4 () ()	4	44	11.9	12.3
5 () ()	5	19	5.1	5.3
6 () ()	6	14	3.8	3.9
7 () ()	7	4	1.1	1.1
8 () ()	8	1	0.3	0.3
10 () ()	10	1	0.3	0.3
11 () ()	11	1	0.3	0.3
12 () ()	12	1	0.3	0.3
13 () ()	13	2	0.5	0.6
14 () ()	14	2	0.5	0.6
16 () ()	16	3	0.8	0.8
17 () ()	17	1	0.3	0.3
18 () ()	18	1	0.3	0.3
19 () ()	19	1	0.3	0.3
20 () ()	20	4	1.1	1.1
24 () ()	24	2	0.5	0.6
28 () ()	28	4	1.1	1.1
29 () ()	29	1	0.3	0.3
31 () ()	31	3	0.8	0.8
32 () ()	32	9	2.4	2.5
33 () ()	33	2	0.5	0.6
34 () ()	34	2	0.5	0.6
36 () ()	36	4	1.1	1.1
37 () ()	37	3	0.8	0.8
38 () ()	38	4	1.1	1.1
39 () ()	39	2	0.5	0.6
40 () ()	40	2	0.5	0.6
42 () ()	42	1	0.3	0.3
	99	12	3.2	
		370	100.0	100.0

q29

29. ? 가 가

	1	195	52.7	52.7
	2	175	47.3	47.3
		370	100.0	100.0

q30

30. ?

	1	0	0.0	0.0
	2	0	0.0	0.0
	3	0	0.0	0.0
	4	6	1.6	3.1
	5	10	2.7	5.1
	6	2	0.5	1.0
	7	40	10.8	20.5
,	8	91	24.6	46.7
	9	44	11.9	22.6
	14	1	0.3	0.5
	15	1	0.3	0.5
	88	175	47.3	
		370	100.0	100.0

q31

31. 가 ?

	1	87	23.5	23.6
()	2	1	0.3	0.3
()	3	54	14.6	14.7
() -	5	34	9.2	9.2
	6	16	4.3	4.3
, (1+2)	7	19	5.1	5.2

	, (1+3)	8	80	21.6	21.7
	, (1+2+3)	10	24	6.5	6.5
	, (1+6)	13	16	4.3	4.3
	(), () (2+3)	14	9	2.4	2.4
	, (2+6)	15	2	0.5	0.5
	, (2+3+6)	16	1	0.3	0.3
	(), (3+6)	17	4	1.1	1.1
(1+2+6)	, ,	18	4	1.1	1.1
(3+5)	() -	19	13	3.5	3.5
	(), (5+6)	20	2	0.5	0.5
		21	1	0.3	0.3
	(), () (2+5)	22	1	0.3	0.3
		88	1	0.3	
		99	1	0.3	
			370	100.0	100.0

q32

32.

?

		1	120	32.4	65.9
	()	2	3	0.8	1.6
	()	3	37	10.0	20.3
	() -	5	12	3.2	6.6
		6	10	2.7	5.5
		8	187	50.5	
		9	1	0.3	
			370	100.0	100.0

q34

34.

?

		1	63	17.0	17.0
		2	1	0.3	0.3
		3	217	58.6	58.6
		8	89	24.1	24.1

370 100.0 100.0

q34_1

()

34 - 1.

0	0	30	8.1	10.7
1	1	92	24.9	32.9
2	2	47	12.7	16.8
3	3	30	8.1	10.7
4	4	26	7.0	9.3
5	5	9	2.4	3.2
6	6	7	1.9	2.5
7	7	11	3.0	3.9
8	8	12	3.2	4.3
9	9	15	4.1	5.4
15	15	1	0.3	0.4
	88	89	24.1	
	99	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q35

35.

?

	1	274	74.1	98.6
3	3	4	1.1	1.4
	0	89	24.1	
	99	3	0.8	
		370	100.0	100.0

q36

36.

?

1	1	5	1.4	1.8
2	2	2	0.5	0.7
3	3	4	1.1	1.4
4	4	18	4.9	6.4
5	5	18	4.9	6.4
6	6	17	4.6	6.0
7	7	18	4.9	6.4
8	8	20	5.4	7.1
9	9	29	7.8	10.3
10	10	51	13.8	18.1
11	11	52	14.1	18.5
12	12	21	5.7	7.5
13	13	8	2.2	2.8
14	14	8	2.2	2.8
15	15	4	1.1	1.4
16	16	3	0.8	1.1
18	18	2	0.5	0.7
22	22	1	0.3	0.4
	0	89	24.1	
		370	100.0	100.0

q37

37.

?

	1	275	74.3	97.9
	2	3	0.8	1.1
,	6	3	0.8	1.1
	0	89	24.1	
		370	100.0	100.0

q38

38. () 가 ?

()	1	2	0.5	0.7
()	2	1	0.3	0.4
	3	274	74.1	97.5
	5	1	0.3	0.4
	8	1	0.3	0.4
	9	1	0.3	0.4
	10	1	0.3	0.4
	0	89	24.1	
		370	100.0	100.0

q39

39. 가 ?

가	1	266	71.9	94.7
	2	15	4.1	5.3
	0	89	24.1	
		370	100.0	100.0

q40

40. ?

	1	220	59.5	78.3
	2	54	14.6	19.2
	3	7	1.9	2.5
	0	89	24.1	
		370	100.0	100.0

q41

41.	?				
		1	84	22.7	30.7
		2	168	45.4	61.3
		3	21	5.7	7.7
		4	1	0.3	0.4
		0	89	24.1	
		8	7	1.9	
			370	100.0	100.0

q42

42.	?				
		2	18	4.9	6.4
가		3	2	0.5	0.7
		7	2	0.5	0.7
		8	259	70.0	92.2
		0	89	24.1	
			370	100.0	100.0

q43

43.	가	?				
			1	148	40.0	54.0
			2	124	33.5	45.3
			3	2	0.5	0.7
			0	89	24.1	
			8	7	1.9	
				370	100.0	100.0

q44 가

44. 가 ?

	1	1	0.3	0.4
	8	279	75.4	99.3
	9	1	0.3	0.4
	0	89	24.1	
		370	100.0	100.0

q45

45. () ?

	1	3	0.8	1.1
	2	278	75.1	98.9
	0	89	24.1	
		370	100.0	100.0

q45_1

45 - 1. ?

	1	1	0.3	33.3
	2	2	0.5	66.7
	0	89	24.1	
	8	278	75.1	
		370	100.0	100.0

q45_2

45 - 2. ?

	1	2	0.5	66.7
	4	1	0.3	33.3
	0	89	24.1	
	8	278	75.1	
		370	100.0	100.0

q46

46.

?

	1	272	73.5	96.8
	2	9	2.4	3.2
	0	89	24.1	
		370	100.0	100.0

q49_1_1

1:

49.
1)

.

	1	35	9.5	12.1
	2	26	7.0	9.0
()	3	229	61.9	79.0
	0	79	21.4	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_1_2

1:

	1	5	1.4	14.3
	2	30	8.1	85.7
	0	79	21.4	
	8	255	68.9	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_2_1

2:

49.
2)

.

	1	55	14.9	19.0
	2	8	2.2	2.8
()	3	227	61.4	78.3
	0	79	21.4	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_2_2

2:

	2	55	14.9	100.0
	0	79	21.4	
	8	235	63.5	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_3_1

3:

49.
3)

.

	1	34	9.2	11.7
	2	40	10.8	13.8
()	3	216	58.4	74.5
	0	79	21.4	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_3_2

3:

	1	5	1.4	14.7
	2	28	7.6	82.4
	7	1	0.3	2.9
	0	79	21.4	
	8	256	69.2	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_4_1

4:

49.
4)

.

	1	4	1.1	1.4
	2	62	16.8	21.4
()	3	224	60.5	77.2
	0	79	21.4	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_4_2

4:

	1	1	0.3	25.0
	2	3	0.8	75.0
	0	79	21.4	
	8	286	77.3	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_5_1

5:

49.
5)

.

	1	69	18.6	23.8
	2	206	55.7	71.0
()	3	15	4.1	5.2
	0	79	21.4	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_5_2

5:

	1	5	1.4	7.2
	2	64	17.3	92.8
	0	79	21.4	
	8	221	59.7	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_6_1

6:

49.
6)

.

	1	64	17.3	22.1
	2	212	57.3	73.1
()	3	14	3.8	4.8
	0	79	21.4	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_6_2

6:

	1	5	1.4	7.8
	2	59	15.9	92.2
	0	79	21.4	
	8	226	61.1	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_7_1

7:

49.
7)

.

	1	264	71.4	91.0
	2	12	3.2	4.1
()	3	14	3.8	4.8
	0	79	21.4	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_7_2

7:

	2	263	71.1	100.0
	0	79	21.4	
	8	27	7.3	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_8_1

8:

49.
8)

.

	1	232	62.7	80.0
	2	44	11.9	15.2
()	3	14	3.8	4.8
	0	79	21.4	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q49_8_2

8:

	2	232	62.7	100.0
	0	79	21.4	
	8	58	15.7	
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q50

50. , , , ,
 ? , ,

	1	294	79.5	79.5
	2	76	20.5	20.5
		370	100.0	100.0

q50_1

50 - 1. () ?

	1	51	13.8	17.3
	2	42	11.4	14.3
	3	69	18.6	23.5
	4	132	35.7	44.9
	8	76	20.5	
		370	100.0	100.0

q51

가

51. () 가 ?

	1	108	29.2	29.2
	2	96	25.9	25.9
	3	25	6.8	6.8
	4	7	1.9	1.9
	5	45	12.2	12.2
	6	88	23.8	23.8
	8	1	0.3	0.3
		370	100.0	100.0

q52 []

52. ?

()	1	5	1.4	1.4
()	2	28	7.6	7.6
	3	337	91.1	91.1
		370	100.0	100.0

q54

54. 가 ?

	1	13	3.5	3.5
	2	85	23.0	23.0
가 ,	3	213	57.6	57.7
	4	9	2.4	2.4
가	5	13	3.5	3.5
	6	27	7.3	7.3
	7	5	1.4	1.4
	8	4	1.1	1.1
	9	1	0.3	
		370	100.0	100.0

q55_1

55. 1) ?

	0	298	80.5	80.5
	1	26	7.0	7.0
	2	31	8.4	8.4
	3	15	4.1	4.1
		370	100.0	100.0

q55_2

55. 2)	?			
	0	351	94.9	94.9
	1	7	1.9	1.9
	2	9	2.4	2.4
	3	3	0.8	0.8
		370	100.0	100.0

q55_3

55. 3)	?			
	0	14	3.8	3.8
	1	125	33.8	33.8
	2	77	20.8	20.8
	3	154	41.6	41.6
		370	100.0	100.0

q56_1

56. 1)				
	1	136	36.8	44.7
	2	12	3.2	3.9
	3	25	6.8	8.2
	4	32	8.6	10.5
가	5	15	4.1	4.9
	6	10	2.7	3.3
	7	11	3.0	3.6
	11	13	3.5	4.3
가	12	25	6.8	8.2
가 , 가 (5+12)	14	11	3.0	3.6
	16	14	3.8	4.6
	0	66	17.8	
		370	100.0	100.0

q56_2

56.
 2)

	1	102	27.6	29.5
	2	6	1.6	1.7
	3	23	6.2	6.6
	4	20	5.4	5.8
가	5	42	11.4	12.1
	6	16	4.3	4.6
	7	7	1.9	2.0
	9	2	0.5	0.6
	10	1	0.3	0.3
	11	24	6.5	6.9
가	12	35	9.5	10.1
	13	16	4.3	4.6
가 , 가	14	32	8.6	9.2
가 ,	15	1	0.3	0.3
	16	18	4.9	5.2
	88	1	0.3	0.3
	0	24	6.5	
		370	100.0	100.0